

 **REPÚBLICA
PORTUGUESA**
JUSTIÇA

Introdução

Métodos

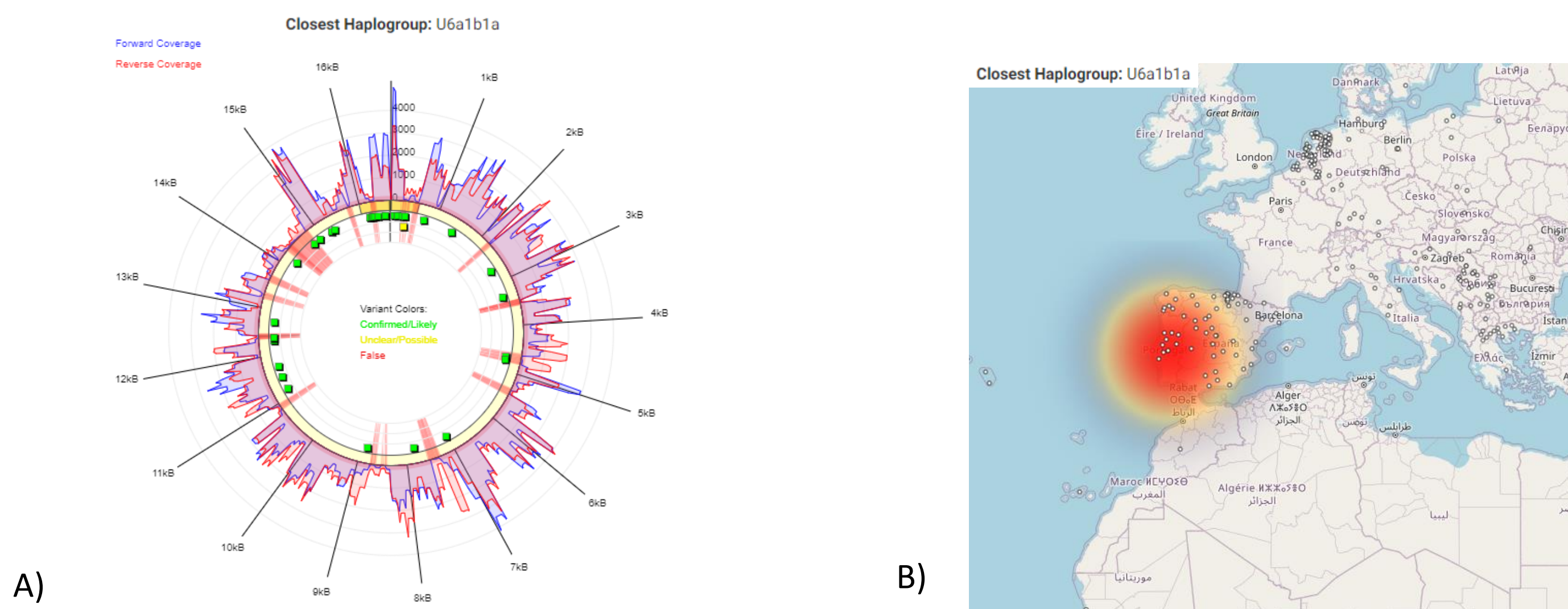
PROCEDIMENTO	DOC. REFERÊNCIA
Extração de ADN com PrepFiler Express BTA™ Forensic DNA Extraction Kit	Recomendações do fabricante - Thermo Fisher Scientific
Quantificação de ADN nuclear com Quantifiler® Trio DNA Quantification Kit	Recomendações do fabricante - Thermo Fisher Scientific
Preparação de Bibliotecas com o painel AmpliSeq™ PhenoTrivium e com Precision ID Library Kit	Diepenbroek et al. (2018) DOI:10.3390/genes1121398
Preparação de Bibliotecas com o painel Precision ID mtDNA Whole Genome Panel e com Precision ID Library Kit	Recomendações do fabricante - Thermo Fisher Scientific
Quantificação de Bibliotecas com Ion Library TaqMan® Quantitation Kit	Recomendações do fabricante - Thermo Fisher Scientific
Preparação de Templates num Chip Ion 530™ com o Kit Ion S5™ Precision ID Chef & Sequencing Kit	Recomendações do fabricante - Thermo Fisher Scientific
Sequenciação com Ion S5™ Precision ID Chef & Sequencing Kit	Recomendações do fabricante - Thermo Fisher Scientific

Resultados

Region	Mean Percentage
Europe	~72%
Southwest Asia	~22%
Africa	~7%
South Asia	~2%
East Asia	~1%
America	~0.5%
Oceania	~0.2%

	ANCESTRALIDADE BIOGEOGRÁFICA	LINHAGEM MATERNA	LINHAGEM PATERNA
África	5.16%	---	---
América	0.04%	---	---
Ásia Este	0.71%	---	---
Ásia Sudoeste	21.28%	---	---
Ásia Sul	1.45%	---	---
Europa	71.36%	U6a1b1a	M-269
Oceânia	---	---	---

		<i>p-value</i>	
Cor de olhos		Azul	0.726
		Intermédio	0.109
		Castanho	0.165
Cabelo	Cor	Loiro	0.273
		Castanho	0.526
		Ruivo	0.166
	Tonalidade	Preto	0.034
		Claro	0.879
		Escuro	0.121
Cor da pele		Muito clara	0.039
		Clara	0.471
		Intermédia	0.490
		Escura	---
		Escura a negra	---



```

graph TD
    J --> I
    J --> LT
    LT --> T
    LT --> L
    L --> K2
    K2 --> KM2308[K-M2308]
    K2 --> K2b
    K2b --> P
    K2b --> K2b1
    P --> KM2335[K-M2335]
    P --> NO
    NO --> N
    NO --> O
    O --> PM1254[P-M1254]
    PM1254 --> PP337[P-P337]
    PP337 --> PP284[P-P284]
    PP284 --> PP226[P-P226]
    PP226 --> Q
    PP226 --> R
    R --> RY482
    RY482 --> R1
    R1 --> R1b
    R1b --> RL754[R-L754]
    RL754 --> RL389[R-L389]
    RL389 --> RP397[R-P397]
    RP397 --> RM269[R-M269]
  
```

Gene	SNP	Allele	No. of Alleles
2 <i>MC1R</i>	rs312262906	A	0 1 2 NA
2 <i>MC1R</i>	rs11547464	A	0 1 2 NA
3 <i>MC1R</i>	rs880883	T	0 1 2 NA
4 <i>MC1R</i>	rs1805008	T	0 1 2 NA
5 <i>MC1R</i>	rs1805005	T	0 1 2 NA
6 <i>MC1R</i>	rs1805006	A	0 1 2 NA
7 <i>MC1R</i>	rs1805007	T	0 1 2 NA
9 <i>TUBB3</i>	rs1805009	C	0 1 2 NA
9 <i>MC1R</i>	rs201326893	A	0 1 2 NA
10 <i>MC1R</i>	rs2228479	A	0 1 2 NA
11 <i>MC1R</i>	rs1110400	C	0 1 2 NA
12 <i>SLC45A2</i>	rs28777	C	0 1 2 NA
12 <i>SLC45A2</i>	rs16891982	C	0 1 2 NA
14 <i>KITLG</i>	rs12821256	G	0 1 2 NA
15 <i>LOC105374875</i>	rs4959270	A	0 1 2 NA
16 <i>IRF4</i>	rs12203592	T	0 1 2 NA
17 <i>TYR</i>	rs1042602	T	0 1 2 NA
18 <i>OCA2</i>	rs1800407	A	0 1 2 NA
19 <i>SLC24A4</i>	rs24002130	G	0 1 2 NA
20 <i>HERC2</i>	rs12913832	T	0 1 2 NA
21 <i>PIGU</i>	rs2378249	C	0 1 2 NA
22 <i>LOC105370627</i>	rs12896399	T	0 1 2 NA
23 <i>TYR</i>	rs1393350	T	0 1 2 NA
24 <i>TYRP1</i>	rs3114908	G	0 1 2 NA
25 <i>ANKRD11</i>	rs3114908	T	0 1 2 NA
26 <i>OCA2</i>	rs1800414	C	0 1 2 NA
27 <i>BNC2</i>	rs10756819	G	0 1 2 NA
28 <i>HERC2</i>	rs2238289	C	0 1 2 NA
29 <i>SLC24A4</i>	rs11728261	C	0 1 2 NA
30 <i>HERC2</i>	rs6481292	C	0 1 2 NA
31 <i>HERC2</i>	rs1129038	C	0 1 2 NA
32 <i>HERC2</i>	rs1667394	C	0 1 2 NA
33 <i>TYR</i>	rs1126809	A	0 1 2 NA
34 <i>OCA2</i>	rs147808	A	0 1 2 NA
35 <i>SLC24A5</i>	rs1426854	G	0 1 2 NA
36 <i>ASIP</i>	rs6119471	C	0 1 2 NA
37 <i>OCA2</i>	rs1545397	T	0 1 2 NA
38 <i>RALY</i>	rs6059655	T	0 1 2 NA
39 <i>OCA2</i>	rs12444727	A	0 1 2 NA
40 <i>MC1R</i>	rs1805005	T	0 1 2 NA
41 <i>DEFB</i>	rs8051733	C	0 1 2 NA

Bibliografia

Biogeographic ancestry prediction using the Admixture Prediction algorithm (DOI: 10.1002/elps.201800171).
Chaitanya et al. (2018). DOI: 10.1016/j.fsigen.2018.04.004
Diepenbroek et al. (2018). DOI: 10.1370/jrnl.1112398
Jin et al. (2018) DOI: 10.1002/elps.201800171
Ralf et al. (2018) DOI: 10.1093/molbev/msy032
Walsh et al. (2012). DOI: 10.1016/j.fsigen.2011.07.009
Walsh et al. (2014). DOI: 10.1016/j.fsigen.2013.12.006